

A 1 aa Deletion in Lon Protease that is Specific for $\alpha\beta\gamma$ - Proteobacteria

Gupta (2000) FEMS Microbiol. Rev. 24, 367- 402; Gupta (2001) Int. Microbiol. 4, 187-202.

	454	501	
<div style="display: flex; flex-direction: column; align-items: center;"> <div style="margin-bottom: 10px;">α, β and γ- Proteobacteria</div> <div style="margin-bottom: 10px;">Other Proteobacteria</div> <div style="margin-bottom: 10px;">Other Gram-ve Bacteria</div> <div>Gram-positive Bacteria: Actinobacteria, Firmicutes</div> </div>	<p>E. coli K12 H. influenzae Vib. cholerae Past. multocida Pse. aeruginosa Xan. campestris Buch. aphidicola Psychromonas ingrahamii Nitrosococcus oceani Xylella fastidiosa N. meningitidis MC58 Nitrosomonas eutropha Ralstonia solanacearum Thiobacillus denitrificans Burkholderia cepacia Rhodoferax ferrireducens Chrom. violaceum Bord. pertussis Ri. prowazekii A. tumefaciens Mesorhizobium loti C. crescentus Rhodobacter sphaeroides Brucella melitensis Magneto. magnetotacticum Gluconobacter oxydans Zymomonas mobilis Rhodospirillum rubrum Novo. aromaticivorans Brad. japonicum Wolbachia Drosophila (e) Rhodopseudomonas palustris Geobacter metallireducens Geo. sulfurreducens Desulfuromonas acetoxidans Bdello. bacteriovorus Myxococcus xanthus Desulfovibrio vulgaris Camp. jejuni Hel. pylori J99 Aqu. aeolicus Chlamydia trachomatis Chlamydia muridarum Chl. pneumoniae Bact. thetaiotaomicron Bacteroides fragilis Cytophaga hutchinsonii Bor. burgdorferi Tre. pallidum Lepto. interrogans Chloroflexus aurantiacus D. radiodurans T. maritima Fusobacterium nucleatum Str. coelicolor Frankia alni Streptomyces avermitilis Salinispora arenicola Mycoplasma pneumoniae Bac. subtilis Thermoana. tengcongensis Oceanobacillus iheyensis Clostridium tetani Clostridium perfringens Brevibacillus thermoruber Carboxy. hydrogeniformans</p>	<p>DHYLEVDYDLSDFVATSNMNM ----- ----- -----R -----LC-A- -----L---E-----L- ----- -----EI---T-A-TL- -----D--L---E-----L- -----A-----I-----L- -----I--E-----A-TL- -----I--F-----L- -----V--E-----A--L- -----I--F-----L- -----V--F----- -----A--E-----A--L- -----I--F-----TL- -----E---N-V-I--A--HD -----E-----T-A-TL- -----E---S---T-A-TL- -----E--Q---T-A--L- -----E---N--LT-A--Y- -----E---N---T-A-T- -----T-A-T-R -----T-A--L- -----T-I-----A--L- -----MT-A--LR -----L-I-----C-A--L- -----N---IT-A-TL- -----EF---S---A--L- -----H---IT-A-TL- --F-D-E---R---I--A--IH G --F-D-E---H---I--A--TH S --F-DM---H---IT-A--LQ G -----LE---K---I--A--LH T ----DL----K---IC-A-T-H N ----DM---Q-F-IT-A--LH S -Y--NFNI---K-I-I--A-DIS N --ANFSI---Q-I-I--A-NID R -L-IGIPF---E-I-IC-G-RAD T ----D-RV---N-L-IL-A-VLD S ----D-RV---N-L-IL-A-VLD S ----D-RV---N-L-IL-A-VLD T -NF-D-----K-L-I--A-NL- T -NF-D-----K---I--A-NL- T -NF--E---K-L-I---ALD T --DLPF-I-N-F-IL-A--VE T --DLPF--HIV--L-A--TD P --DLPF-I-N-F-I--A-TLD S ----LPF--K-I-I--A-QLE P ----P---Q---IT-A--LQ T ----PF---Q-L-IT-A-VLH T --IDMPF---K-F---A-DLR N -----EL-----V-L--A-VLE A -----EL-----L-L--A-VLE A -----EL-----V-L--A-VLE A -----L-----L-L--A-VVE A -N-V-E---K-----A-YIE D --I-ETF---K-L-I--A-NLA T --DLPF---K-L-IT-A-TTD T --FI-ET---N-L-I--A-NVS S ----LEC---K-L-IT-A-TLG T ----V---E---IT-A--LD G --I-ET---TN---IT-A--TH T --I-LPF---H-L-IT-A-NLY N</p>	<p>IPAPLLDRMEVIRLSGYTEDEKLN --G----- --G----- -----P-----V-- --G-----IP----- -----I-----N----- --G----- --G-----I-----I-- --G-----IP----- --T-----I-----I-- --PA----- -----V-- L-----I-- --P-----VS- --SA-----T-- --PA-----I-----V-- --PA-----E--IH- L-RA-S---K-YI---V-E---Q- --G--M-----IA-----RE- ----M---I--IA-----IE- M-Q-----I--IP-----E- M-S-----I-P-----RE- --G-----I--IA-----E- M-Q-----I-----VE- M-Q-----I--N-----VQ- L---I---I---E-----IE- M-Q-----I-----IE- L-Q-----I---E---VE- --G--M---I---IA---N--VE- L-H-R---I--Q-----IS- --G--M---I---IA---N--VE- --R-----L---D---H---A- --R-----E---H---A- -----IVQ-D-----E---Q- --R-----I--N--E--I--Q--FH- --G--Q-----IA---P---S- --L--Q-----I---P--L--T--RR- --R---F--E--S--PS--FH- --R---F--SV--S--PS--EE- --T-----L--M---S--E---F- --D-----L-----ILE---Q- --D-----L-----ILE---Q- --D-----IL-----ILE---Q- --G-----L-EV---ITE--VE- --G-----L-EV---ITE--VE- -QPA-R---I-EIN---LE--IQ- --R---N---I-EI---IDN--IE- --R---A--I-----IDT--VE- --SRI-----I--N---IT--VQ- --L--R---I---EIP---ME- --QIP---QQ--VE- --PA-R---I-EIP--SDP--YH- VS---R---DILQ--S---F--H- --EA-----LV--D-----VV- -----L---D-----VV- --EA-----LV--D-----VV- --S-----LVT-D-----VA- --EA-----E-TS---Q---Q- --G--R---I--NIA---I---E- -----YI-----E--FH- --E-----L-SIA---V---H- --R--M---I-EV---GE--F-- --R---I-EV---YE--FR- --R-----SIA---L---H- --R-----HIP---E---V-</p>